

医薬審発 1208 第 1 号
令和 5 年 12 月 8 日

各都道府県衛生主管部（局）長 殿

厚生労働省医薬局医薬品審査管理課長
（ 公 印 省 略 ）

医薬品の一般的名称について

標記については、「医薬品の一般的名称の取扱いについて（平成 18 年 3 月 31 日薬食発第 0331001 号厚生労働省医薬食品局長通知）」等により取り扱っているところです。今般、我が国における医薬品の一般的名称（以下「JAN」という。）について、新たに別添のとおり定めたので、御了知の上、貴管下関係業者に周知方よろしく御配慮願います。

（参照）

「日本医薬品一般的名称データベース」<https://jpdb.nihs.go.jp/jan/>

（別添の情報のうち、JAN 以外の最新の情報は、当該データベースの情報で対応することとしています。）

(別表1) INNとの整合性が図られる可能性のあるもの

(平成18年3月31日薬食審査発第0331001号厚生労働省医薬食品局審査管理課長通知に示す別表1)

登録番号 305-4-A1

JAN (日本名) : テグレンメラン

JAN (英名) : Tegrenmeran

核酸配列

GAGGAGACCC AAGCUACAUU UGCUUCUGAC ACAACUGUGU UCACUAGCAA	50
CCUCAAACAG ACACCGCCAC CAUGUUCGUG UUCCUGGUGC UGCUGCCCCU	100
GGUGAGCAGC AGAGUGCAGC CCACCGAGAG CAUCGUGCGG UUCCCCAACA	150
UCACCAACCU GUGCCCUUC GACGAGGUGU UCAACGCCAC CAGAUUCGCC	200
AGCGUGUACG CCUGGAACCG GAAGCGGAUC AGCAACUGCG UGGCCGACUA	250
CAGCGUGCUG UACAACUUCG CCCCCUUCUU CGCCUUCAAG UGCUACGGCG	300
UGAGCCCCAC CAAGCUGAAC GACCUGUGCU UCACCAACGU GUACGCCGAC	350
AGCUUCGUGA UCAGAGGCAA CGAAGUGAGC CAGAUCGCCC CCGGACAGAC	400
AGGCAACAUC GCCGACUACA ACUACAAGCU GCCCGACGAC UUCACCGGCU	450
GCGUGAUCGC CUGGAACAGC AACAAAGCUGG ACAGCAAAGU CGGCGGCAAC	500
UACAACUACC GGUACCGGCU GUUCCGGAAG UCCAACCUGA AGCCCUUCGA	550
GCGGGACAUC AGCACCGAGA UCUACCAGGC CGGCAACAAG CCCUGCAACG	600
GCGUGGCCGG CGUCAACUGC UACUUCCAC UGCAGAGCUA CGGCUUCCGG	650
CCCACAUACG GCGUGGGCCA CCAGCCUAC AGAGUGGUGG UGCUGAGCUU	700
CGAGCUGCUG CACGCCCCCG CCACAGUGUG CGGCCCCAAG AAAAGCACCA	750
ACCUGGUCAA GAACAAAAGC GUGAACUUCU GAGCUCGCUU UCUUGCUGUC	800
CAAUUUCUAU UAAAGGUUCC UUUGUCCCU AAGUCCAACU ACUAAACUGG	850
GGGAUAUUUAU GAAGGGCCUU GAGCAUCUGG AUUCUGCCUA AUAAAAACA	900
UUUAUUUUCA UUGCAAAAAA AAAAAAAAAA AAAAAAAAAA AAAAAAAAAA	950
AAAAAAAAAA AAAAAAAAAA AAAAAAAAAA AAAAAAAAAA AAAAAAAAAA	1000
AAAAAAAAAA AAAAAAAAAA	1019

A : アデノシン, C : 5-メチルシチジン, G : グアノシン, U : 5-メチルウリジン

1-3 : 5'キャップ構造部分

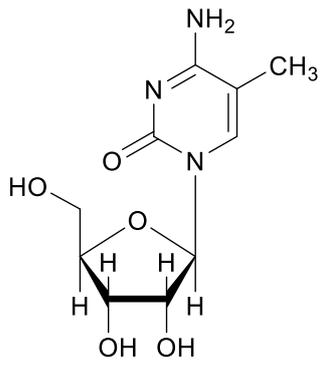
4-71 : 5'非翻訳領域 (16-65 : ヒトβグロビン遺伝子5'非翻訳領域由来の配列)

72-782 : 翻訳領域 (72-74 : 開始コドン ; 75-110 : SARS-CoV-2 のスパイクタンパク質のシグナルペプチド ;

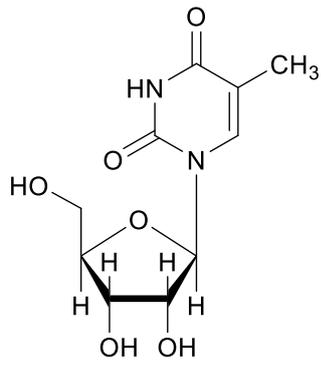
780-782 : 終止コドン)

783-914 : 3'非翻訳領域 (ヒトβグロビン遺伝子3'非翻訳領域由来の配列)

915-1019 : ポリ A 配列

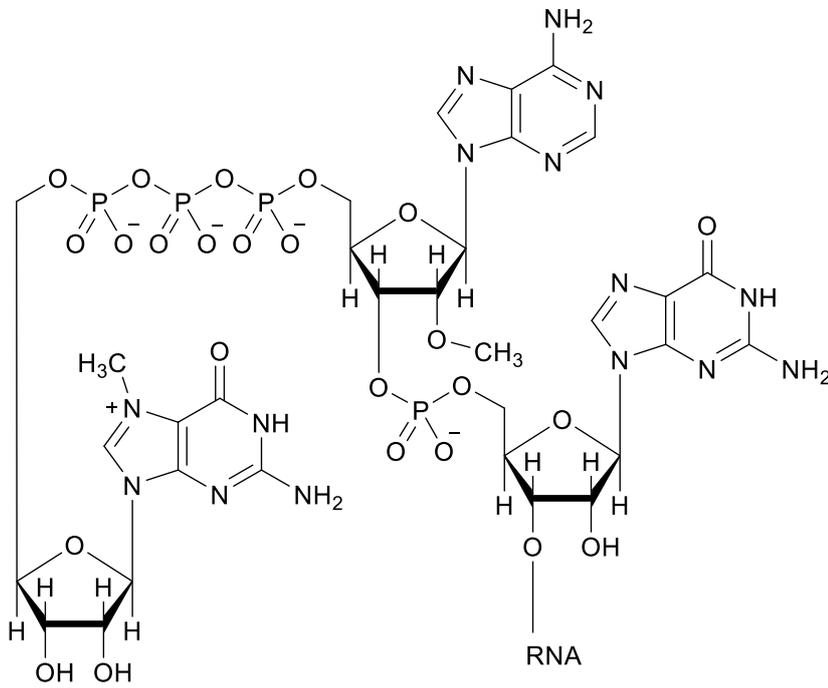


5-メチルシチジン



5-メチルウリジン

5'キャップ構造部分



テグレンメランは、SARS-CoV-2 の B.1.1.529.4 及び B.1.1.529.5 系統の変異株（オミクロン株）に共通するスパイクタンパク質の受容体結合ドメイン類縁体（C533S）をコードする mRNA である。テグレンメランは、5'キャップ構造及びポリ A 配列を含み、全てのシチジン残基及びウリジン残基が、それぞれ 5-メチルシチジン残基及び 5-メチルウリジン残基に置換された、1019 個のヌクレオチド残基からなる 1 本鎖 RNA である。

Tegrenmeran is a mRNA encoding receptor-binding domain analog (C533S) of spike protein of SARS-CoV-2 (Omicron variant, B.1.1.529.4 and B.1.1.529.5). Tegrenmeran is a single-stranded RNA consisting of 1019 nucleotide residues including the 5' cap structure and poly A sequence in which all cytidine and uridine residues are replaced by 5-methylcytidine and 5-methyluridine residues, respectively.

登録番号 305-4-A2

JAN (日本名) : ベムレメラン

JAN (英名) : Bemremeran

核酸配列

GAGGAGACCC AAGCUACAUU UGCUUCUGAC ACAACUGUGU UCACUAGCAA	50
CCUCAACACAG ACACCGCCAC CAUGUUCGUG UUCCUGGUGC UGCUGCCCCU	100
GGUGAGCAGC AGAGUGCAGC CCACCGAGAG CAUCGUGCGG UUCCCCAACA	150
UCACCAACCU GUGCCCUUC CACGAGGUGU UCAACGCCAC CACAUUCGCC	200
AGCGUGUACG CCUGGAACCG GAAGCGGAUC AGCAACUGCG UGGCCGACUA	250
CAGCGUGAUC UACAACUUCG CCCCCUUCUU CGCCUUCAAG UGCUACGGCG	300
UGAGCCCCAC CAAGCUGAAC GACCUGUGCU UCACCAACGU GUACGCCGAC	350
AGCUUCGUGA UCAGAGGCAA CGAAGUGAGC CAGAUCGCCC CCGGACAGAC	400
AGGCAACAUC GCCGACUACA ACUACAAGCU GCCCGACGAC UUCACCGGCU	450
GCGUGAUCGC CUGGAACAGC AACAAAGCUGG ACAGCAAACC CAGCGGCAAC	500
UACAACUACC UGUACCGGCU GUUCCGGAAG UCCAAGCUGA AGCCCUUCGA	550
GCGGGACAUC AGCACCGAGA UCUACCAGGC CGGCAACAAG CCCUGCAACG	600
GCGUGGCCGG CCCAACUGC UACAGCCCAC UGCAGAGCUA CGGCUUCCGG	650
CCCACAUACG GCGUGGGCCA CCAGCCCUAC AGAGUGGUGG UGCUGAGCUU	700
CGAGCUGCUG CACGCCCCCG CCACAGUGUG CGGCCCCAAG AAAAGCACCA	750
ACCUGGUCAAA GAACAAAAGC GUGAACUUCU GAGCUCGCUU UCUUGCUGUC	800
CAAUUUCUAU UAAAGGUUCC UUUGUCCCU AAGUCCAACU ACUAAACUGG	850
GGGAUAUUUAU GAAGGGCCUU GAGCAUCUGG AUUCUGCCUA AUAAAAACA	900
UUUAUUUUCA UUGCAAAAAA AAAAAAAAAA AAAAAAAAAA AAAAAAAAAA	950
AAAAAAAAAA AAAAAAAAAA AAAAAAAAAA AAAAAAAAAA AAAAAAAAAA	1000
AAAAAAAAAA AAAAAAAAAA AAAA	1024

A : アデノシン, C : 5-メチルシチジン, G : グアノシン, U : 5-メチルウリジン

1-3 : 5'キャップ構造部分

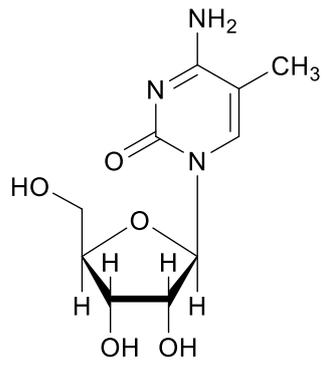
4-71 : 5'非翻訳領域 (16-65 : ヒトβグロビン遺伝子5'非翻訳領域由来の配列)

72-782 : 翻訳領域 (72-74 : 開始コドン ; 75-110 : SARS-CoV-2 のスパイクタンパク質のシグナルペプチド ;

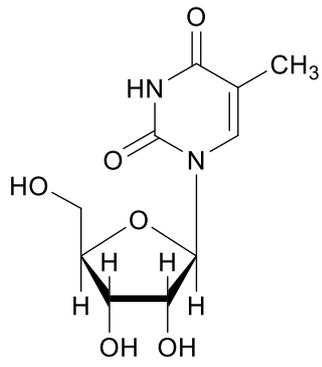
780-782 : 終止コドン)

783-914 : 3'非翻訳領域 (ヒトβグロビン遺伝子3'非翻訳領域由来の配列)

915-1024 : ポリ A 配列

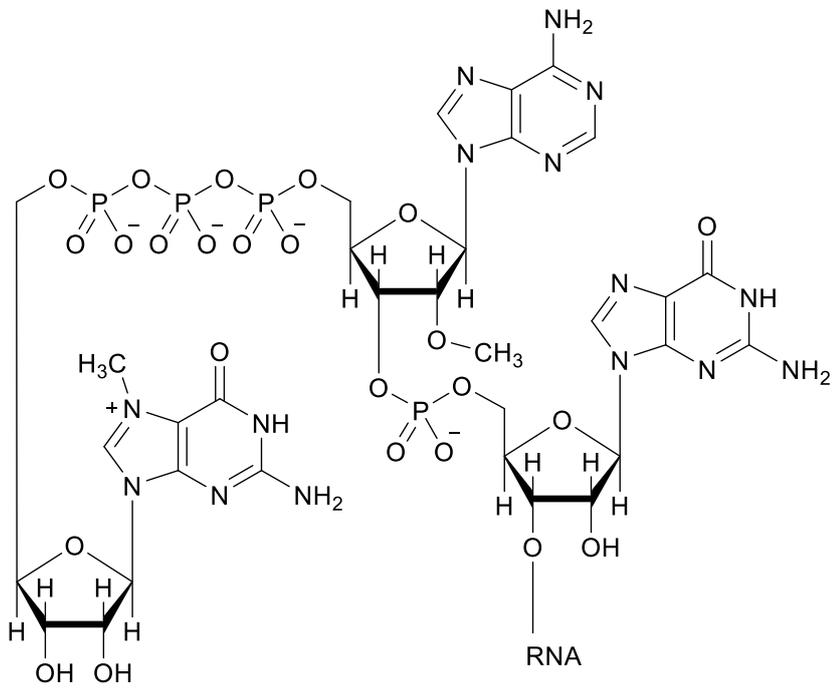


5-メチルシチジン



5-メチルウリジン

5'キャップ構造部分



ベムレメランは、SARS-CoV-2 の XBB.1.5 系統の変異株（オミクロン株）のスパイクタンパク質の受容体結合ドメイン類似体（C534S）をコードする mRNA である。ベムレメランは、5'キャップ構造及びポリ A 配列を含み、全てのシチジン残基及びウリジン残基が、それぞれ 5-メチルシチジン残基及び 5-メチルウリジン残基に置換された、1024 個のヌクレオチド残基からなる 1 本鎖 RNA である。

Bemremeran is a mRNA encoding receptor-binding domain analog (C534S) of spike protein of SARS-CoV-2 (Omicron variant, XBB.1.5). Bemremeran is a single-stranded RNA consisting of 1024 nucleotide residues including the 5' cap structure and poly A sequence in which all cytidine and uridine residues are replaced by 5-methylcytidine and 5-methyluridine residues, respectively.

※ JAN 以外の情報は、参考として掲載しました。